

 <p>UNIVERSITÉ BORDEAUX 1 Sciences Technologies</p> <p>Master BioInformatique</p>	<p>ANNÉE : 2012/2013 SEMESTRE DE DÉCEMBRE 2012</p> <p>PARCOURS : Master 1 UE J1BS7202 : Algorithmique et Programmation Épreuve : Examen Date : Lundi 17 décembre 2012 Heure : 10 heures Durée : 2 heures Documents : autorisés Épreuve de M. Alain GRIFFAULT</p>
--	---

Code d'anonymat :

Avertissement

- La plupart des questions sont indépendantes.
- Vous pouvez au choix utiliser un *langage algorithmique* ou bien le *langage python* pour répondre aux questions.
- L'espace laissé pour les réponses est suffisant (sauf si vous utilisez ces feuilles comme brouillon, ce qui est fortement déconseillé).

Question	Points	Score
ABR : algorithmes et complexités	20	
Total:	20	

Exercice 1 : ABR : algorithmes et complexités

(20 points)

Rappels : Les Arbres Binaires de Recherche (ABR) sont des arbres binaires qui satisfont la propriété suivante : $\forall N$ un nœud de l'arbre, $\forall G$ un nœud du sous arbre gauche de N , $\forall D$ un nœud du sous arbre droit de N , $G.info \leq N.info \leq D.info$, où *info* est une valeur entière servant à comparer les nœuds.

Voici pour mémoire une version python de deux algorithmes vus en cours sur les ABR.

```

def minimumABR(A):
    if A==None:
        return None
    else:
        Aux = A
        while Aux.fg!=None:
            Aux = Aux.fg
        return Aux

def successeurABR(A,P):
    # P doit etre un noeud non nil de A
    if P.fg!=None:
        return minimumABR(P.fg)
    else:
        Aux = P
        AuxPere = P.pere
        while AuxPere!=None and AuxPere.fg==Aux:
            Aux = AuxPere
            AuxPere = Aux.pere
        return AuxPere

```

- (a) (2 points) En vous inspirant de la fonction `minimumABR(A)` vue en cours, écrire une fonction itérative `maximumABR(A)` qui retourne un pointeur sur le nœud de l'arbre `A` possédant la plus grande valeur entière s'il existe, la valeur `nil` sinon.

- (b) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction `maximumABR(A)` en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre A .
- (c) (3 points) En vous inspirant de la fonction `successeurABR(A,P)` vue en cours, écrire une fonction `predecesseur(A,P)` qui retourne un pointeur sur le nœud possédant la valeur qui précède la valeur contenue dans P .
- (d) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction `predecesseurABR(A,P)` en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre A .

- (e) (3 points) En utilisant les fonctions `minimumABR(A)` et `successeurABR(A,P)` vues en cours, écrire une fonction itérative `afficherCroissantABR(A)` qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche `A` en ordre croissant.
- (f) (2 points) Donner et justifier les complexités (pire des cas et meilleur des cas) de votre fonction `afficherCroissantABR(A)` en fonction du nombre de nœuds n ou de la hauteur h de l'arbre `A`.

- (g) (2 points) En utilisant les fonctions `maximumABR(A)` et `predecesseurABR(A,P)` vues en cours, écrire une fonction itérative `afficherDecroissantABR(A)` qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche **A** en ordre décroissant.
- (h) (2 points) Écrire une fonction récursive `afficherDecroissantRekursifABR(A)` qui affiche les valeurs de l'arbre binaire de recherche **A** en ordre décroissant.
- (i) (2 points) Soit **A** un ABR contenant au moins deux nœuds **P1** et **P2**, et les deux séquences de calculs :
- | | |
|------------------------------------|------------------------------------|
| $B1 = \text{supprimerABR}(A, P1)$ | $B2 = \text{supprimerABR}(A, P2)$ |
| $B1 = \text{supprimerABR}(B1, P2)$ | $B2 = \text{supprimerABR}(B2, P1)$ |
- A-t-on toujours $B1 = B2$ après ces calculs ? Si oui, justifier. Si non, donner un exemple.